



Avis de surveillance – Influenza

21 janvier 2025

Avis sur la propagation

Une nouvelle souche Influenza H3N2 clade 2010.1 a été identifiée dans la région de la **Montérégie**, à environ 200 km des premiers foyers déjà détectés dans la région Chaudière-Appalaches. Le total de cas rapporté se situe maintenant à sept. C'est la première fois que l'on détecte cette souche émergente à l'extérieur de la région initiale et les signes cliniques pourraient suggérer que le virus y circulerait depuis le début de l'automne dernier.

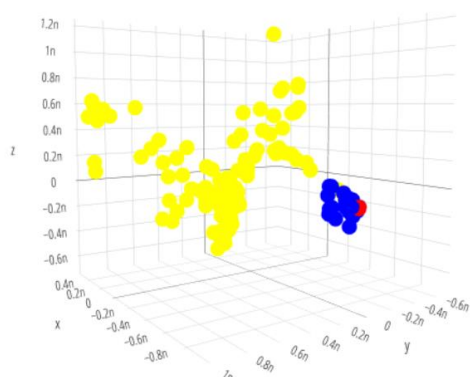
Historique de la ferme en Montérégie

L'échantillonnage de cette ferme a été fait le 3 décembre dernier. Cette maternité a un antécédent d'Influenza circulant sur le site. Des signes cliniques plus intenses sont apparus au début de l'automne 2024, par l'apparition d'une toux beaucoup plus importante chez les porcelets en lactation, de même que de la toux chez les cochettes à l'entrée dans le troupeau. En pouponnière, la toux y persiste et est accompagnée par du pompage, retard de croissance et mortalité. Quoique les signes cliniques sont maintenant moins intenses, la toux est toujours présente chez les porcelets et les cochettes. En pouponnière, la toux est maintenant plus courte. La source possible de contamination n'a toujours pas été identifiée.

Comparaison de 2 souches du Québec avec une base de données partielle de l'Ontario

Les résultats de la comparaison suggèrent que les séquences du Québec et de l'Ontario sont relativement proches entre elles tant du point de vue de la similarité des séquences complètes du gène HA que du point de vue des distances d'épitopes. Cette analyse a été faite par le Dr Robert Charrette.

Figure 1 : Positionnement multidimensionnel des distances de similarité (jaune : séquences de référence disponibles dans octoFLU; bleu : certaines séquences de l'Ontario; rouge : deux séquences de la région de Chaudière-Appalaches au Québec.



La figure 1 présente les données de similarité par positionnement multidimensionnel. Les séquences de référence sont en jaune, celles de l'Ontario en bleu et du Québec en rouge. On constate que les séquences de l'Ontario et du Québec forment un nuage de points distinct par rapport aux séquences de références. Les séquences du Québec et de l'Ontario présentent une moins grande diversité comparativement aux séquences de références. La similarité varie entre 0,966 et 1,0 alors que pour les séquences de référence, elle varie entre 0,878 et 1,0.

Vaccin régional

Cette nouvelle souche émergente a maintenant été isolée et devrait être ajoutée au vaccin régional qui sera disponible pour septembre 2025.

La vigilance est toujours de mise et il est suggéré d'augmenter la surveillance en prélevant des écouvillons nasaux. L'objectif est de mieux comprendre la situation épidémiologique afin de **démontrer, entre autres, à l'ACIA que ce nouveau clade est maintenant présent dans plusieurs élevages du Québec**. Des gratuités de tests sont toujours disponibles au MAPAQ.

Christian Klopfenstein pour L'équipe santé du CDPQ